

バイオ情報解析SaaSシステム

SaaS×SaaS - Supplying Advanced Academic Software by SaaS™

SaaS (Software as a Service) は、ウェブブラウザ経由で必要な機能と計算資源を提供するクラウドサービスのことを指します。SaaS×SaaS - Supplying Advanced Academic Software by SaaS™ は、アヘッド・バイオコンピューティング株式会社の登録商標です。

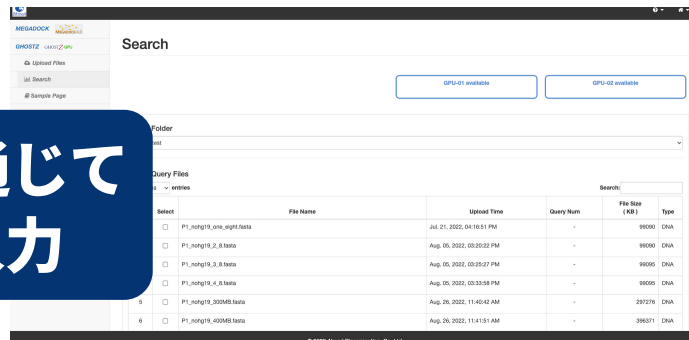
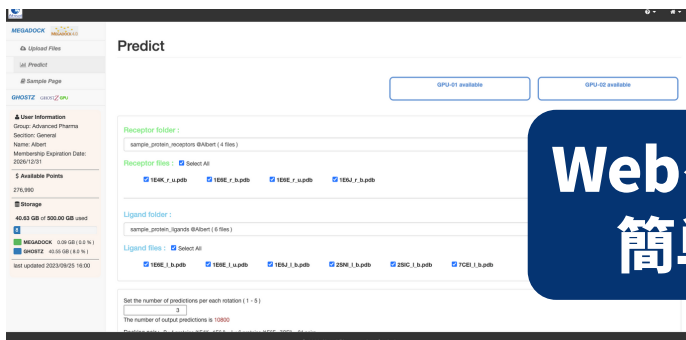
最先端のバイオインフォマティクス・ソフトウェアを、SaaSを通じて、必要な時に、必要なだけ、簡単に使えます。

タンパク質間相互作用予測



大規模ゲノム配列解析

GHOSTZ-GPU



Webを通じて
簡単入力



グラフィカルに
結果を確認！



環境構築不要！ 簡単操作で情報解析！

MEGADOCK

世界に類例のない超高速タンパク質ドッキングソフトウェア（MEGADOCK 5.0）を活用して、タンパク質間相互作用の大規模な予測計算を実施いたします。未知の生命現象解明や、創薬標的の検討などにお使いください。

※MEGADOCK 5.0は東京工業大学で開発されたソフトウェアで、アヘッド・バイオコンピューティング株式会社が権利を承継いたしました。

結果の閲覧

Results table for MEGADOCK:

File	PPR Score	TOP SCORE	Result	Centroids
1AK2_r_u.pdb	4.79	3853.20	Download	Download
1AK2_l_u.pdb				

- ブラウザで結果を確認できる
- 可視化ツールも充実
- 結果も楽々ダウンロード

アップロード

複数ファイルもまとめてアップロード

予測

複数ファイルをまとめて予測

GHOSTZ-GPU

世界最高速クラスかつ高感度の配列相同性解析ソフトウェア（GHOSTZ-GPU）を活用して、大規模メタゲノム（16S/WGS）情報解析を実施いたします。腸内・口腔内・環境中の細菌叢解析をはじめとする大量クエリデータの検索にお使いください。

※GHOSTZ-GPUは東京工業大学で開発されたソフトウェアで、アヘッド・バイオコンピューティング株式会社が権利を承継いたしました。

結果の確認

No.	Query	Subject	Query Start	Query End	Subject Start	Subject End	E-Value
1	query2	P00561.2 RecName: Full-Bifunctional aspartokin...	1	100	1	100	8.088E-49
2	query2	P27725.1 RecName: Full-Bifunctional aspartokin...	1	100	1	100	2.359E-40
3	query2	P57290.1 RecName: Full-Bifunctional aspartokin...	1	98	1	98	7.890E-03
4	query3	B1LFT4.1 RecName: Full-Homoserine kinase, Short...	1	100	1	100	1.333E-51
5	query3	Q8FLD4.1 RecName: Full-Homoserine kinase, Short...	1	100	1	100	1.333E-51
6	query3	B1X8C4.1 RecName: Full-Homoserine kinase, Short...	1	100	1	100	1.333E-51
7	query4	P00324.1 RecName: Full-Threonine synthase, Short...	1	100	1	100	1.902E-47

- ブラウザで結果を確認できる
- 複数ファイルの結果も見やすく一覧表示
- 必要な情報をまとめて表示

アップロード

大容量ファイルも楽々アップロード

検索

複数ファイルをまとめて検索